

## SEQUENCE LISTING

<110> Leyland-Jones, Brian

<120> MULTIPLE DETERMINANTS FOR METABOLIC PHENOTYPES

<130> 3298.1001-000

<140> 10/072,611

<141> 2002-02-08

<150> 60/267,472

<151> 2001-02-09

<160> 25

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 21

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 1

tcctagaaga cagcaacgac c

<210> 2

<211> 18

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 2

gtgaagccca ccaaacag.

<210> 3

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Primer

<400> 3

ggccatcttt aaaatacatt tt

<210> 4

<211> 31

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

#5

21

18

22

<223> Primer	
<400> 4 cetecettge tggetgtgte ceaagetagg e	31
<210> 5 <211> 31 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 5 cgccccttcc tttccgccat cctgccccca g	31
<210> 6 <211> 20 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 6 gcgtggtatt cagcaacggg	20
<210> 7 <211> 19 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 7 tgccccgtgg aggttgacg	19
<210> 8 <211> 20 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 8 aattacaacc agagcttggc	20
<210> 9 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 9 tatcactttc cataaaagca ag	22

<210><211><211><212><213>	20	
<220> <223>	Primer	
<400> aacato	10 cagga ttgtaagcac	20
<210> <211> <212> <213>	20	
<220> <223>	Primer	
<400> tcaggg	11 gcttg gtcaatatag	20
<210><211><212><212><213>	24	
<220> <223>	Primer	
<400> caatgg		24
<210><211><212><212><213>	24	
<220> <223>	Primer .	
<400> agaaag	13 gtaat actcagacca atcg	24
<210><211><211><212><213>	20	
<220> <223>	Primer	
<400> tgcaco		20
<210><211><211><212><213>	27	

<220>	
<400> 15 agcttcaggg tttacgtatc atagtaa	27
<210> 16 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 16 ccagaaggct ttgcaggctt ca	22
<210> 17 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 17 actgagccct gggaggtagg ta	22
<210> 18 <211> 23 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 18 ccatttggta gtgaggcagg tat	23
<210> 19 <211> 23 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 19 caccatccat gtttgcttct ggt	23
<210> 20 <211> 18 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> Primer	
<400> 20	

cccgtg	agcc agtcgagt	18
<210><211><212><212><213>	18	
<220>	Primer	
<400>	21	
atacag	accc tettecac	18
<210><211><212><212><213>	21	
<220> <223>	Primer	
<400> agtcga	22 catg tgatggatcc a	21
<210><211><211><212><213>	21	
<220> <223>	Primer	
<400>	23 gttt catcatgttg g	21
<210> <211>		
<212>		
	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	Primer	
<400>	24	
gctggg	tctg gaagctcctc	20
<210>	25	
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	Primer	
<400>		2.
ttgggt	gata catacacaag gg	22